

**UNIVERSIDAD DE CONCEPCIÓN**  
**FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS**  
**Departamento de Ciencias Pecuarias**



**ESTUDIO DEL FENOTIPO DE JABALÍ (*Sus scrofa scrofa*) EN HEMBRAS DE  
2n 36 CROMOSOMAS HOMO Y HETEROCIGOTO PARA EL ALELO SALVAJE  
DEL GEN MC1R QUE CODIFICA PARA EL RECEPTOR DE MELANOCORTINA.**

MEMORIA DE TÍTULO PRESENTADA  
A LA FACULTAD DE CIENCIAS  
VETERINARIAS DE LA UNIVERSIDAD  
DE CONCEPCIÓN PARA OPTAR AL  
TÍTULO DE MÉDICO VETERINARIO

**FRANCISCO JAVIER BARROS DOMÍNGUEZ**

**CHILLÁN – CHILE**

**2008**

## I. RESUMEN.

**ESTUDIO DEL FENOTIPO DE JABALÍ (*Sus scrofa scrofa*) EN HEMBRAS DE 2n 36 CROMOSOMAS HOMO Y HETEROCIGOTO PARA EL ALELO SALVAJE DEL GEN MC1R QUE CODIFICA PARA EL RECEPTOR DE MELANOCORTINA.**

**STUDY OF THE PHENOTYPE OF WILD BOAR (*Sus scrofa scrofa*) IN FEMALES OF 2n 36 CHROMOSOMES HOMO AND HETEROCYTOT FOR WILD ALLELE OF THE GEN MC1R THAT CODIFIES FOR THE MELANOCORTIN RECEPTOR.**

Actualmente y producto del incremento en la producción de jabalí en cautiverio se han originando especímenes híbridos de cruza con cerdo doméstico. El jabalí salvaje europeo posee un alelo específico (E+) del gen MC1R, que codifica para el color de capa sirviendo como marcador para distinguir jabalíes puros de cerdos y de mestizos.

Se estimó de interés verificar si la homocigosis del alelo E o pureza de jabalí estaría relacionada con alguna característica biométrica externa del animal.

Así, se estudiaron 13 medidas corporales: ancho de nariz, distancia rostral entre ojos, largo de oreja, largo frente, ancho de canilla, distancia calcáneo - pezuña, largo pezuña anterior, largo pezuña posterior, alzada anterior, alzada posterior, largo cuerpo, largo cola y perímetro torácico, en jabalíes homo y heterocigotos para el alelo salvaje del gen MC1R.

La única medida que discrimina ( $p < 0.05$ ) entre grupos genéticos es "largo de oreja".

**Palabras claves:** Características biométricas, medidas corporales, jabalí, genotipo, fenotipo, MC1R.

## II SUMMARY.

Currently and product of the increase of wild boar production in captivity, they have been causing specimens hybrid crosses with domestic pigs. The European wild boar has a specific allele (E +) gene MC1R, which encodes for the color layer serving as a marker to distinguish pure pig from wild boar mixed.

It was considered of interest to investigate ascertain whether the homocigosis of E allele or purity of wild boar is related to any external biometric feature of the animal.

They were studied 13 body measures like: width of nose, rostral distance between eyes, long of ears, long faced, width metacarpal, distance calcaneus – hoof, long claw previous, long claw back, hoisted above, hoisted later, long-bodied, tail long and perimeter thoracic, wild boar homo and heterozygous for the wild allele of the gene MC1R.

The only measure that discriminates ( $p < 0.05$ ) between genetic groups was "long of the ear."

**Key words:** biometric features, body measurements, wild boar, genotype, phenotype, MC1R

