

UNIVERSIDAD DE CONCEPCIÓN
FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS
Departamento de Ciencias Pecuarias



**RELACIÓN FILOGENÉTICA DE LA POBLACIÓN DE GATOS DE
TALCAHUANO CON OTRAS POBLACIONES DE CHILE Y EL MUNDO**



**MEMORIA DE TÍTULO PRESENTADA
A LA FACULTAD DE CIENCIAS
VETERINARIAS DE LA UNIVERSIDAD
DE CONCEPCIÓN, PARA OPTAR AL
TÍTULO DE MÉDICO VETERINARIO**

JENNIFFER DANIELA BENÍTEZ SAAVEDRA
CONCEPCIÓN - CHILE

2012

I. RESUMEN

RELACIÓN FILOGENÉTICA DE LA POBLACIÓN DE GATOS DE TALCAHUANO CON OTRAS POBLACIONES DE CHILE Y EL MUNDO

PHYLOGENETIC RELATIONSHIP OF THE TALCAHUANO'S POPULATION CAT WITH OTHER CHILEAN AND FOREIGN POPULATIONS

Entre agosto del 2010 y enero del 2011 se muestrearon aleatoriamente 208 individuos de la población de gatos de la ciudad de Talcahuano, Chile. Cada ejemplar fue analizado, clasificado y fotografiado para realizar un registro de su sexo y de las frecuencias génicas de algunos loci expresados en la capa de cada gato (O, a, t^b, d, l, S y W). Con estas frecuencias y gracias al estadígrafo de Chi cuadrado (X^2), se determinó que la población en estudio no se encontraba en equilibrio de Hardy-Weinberg para el locus O, pero si lo hacía para el locus S. Conjuntamente, con las frecuencias obtenidas se determinó la distancia genética de Talcahuano con otras 55 poblaciones de Chile y del mundo según la metodología de Nei, utilizando el programa computacional "Phylip® 3.69", lo que dio como resultado que la población de gatos de Talcahuano tiene una menor distancia genética con las poblaciones chilenas de Chiloé, Chillán y Valparaíso, en cambio tiene una mayor distancia con las poblaciones de Bogotá, Valencia y York. Además, se construyó un árbol filogenético con el método de Neighbor Joining y muestreo bootstrapping de las distancias genéticas, donde Talcahuano se posicionó en un clado común con la mayoría de las poblaciones felinas chilenas. Tras esto, se concluye que la población de gatos de Talcahuano tiene mayor relación con poblaciones chilenas e hispanoamericanas que con poblaciones europeas.

Palabras clave: alelos mutantes, frecuencia génica, distancia genética, *Felis catus*.