

UNIVERSIDAD DE CONCEPCIÓN
FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS
Departamento de Ciencias Pecuarias



**ANÁLISIS DE LAS FRECUENCIAS DE 7 ALELOS MUTANTES DE LA CAPA
EN LA POBLACIÓN DE GATOS DE TALCA Y SU RELACIÓN FILOGENÉTICA
CON OTRAS POBLACIONES CHILENAS Y DEL MUNDO**

**TRABAJO DE TITULACIÓN PRESENTADO
A LA FACULTAD DE CIENCIAS
VETERINARIAS DE LA UNIVERSIDAD DE
CONCEPCIÓN, PARA OPTAR AL TÍTULO DE
MÉDICO VETERINARIO**

PAMELA IGNACIA AVILÉS OBREGÓN
CONCEPCIÓN – CHILE

2015

I. RESUMEN

ANÁLISIS DE LAS FRECUENCIAS DE 7 ALELOS MUTANTES DE LA CAPA EN LA POBLACIÓN DE GATOS DE TALCA Y SU RELACIÓN FILOGENÉTICA CON OTRAS POBLACIONES CHILENAS Y DEL MUNDO

ANALYSIS OF THE FREQUENCY OF 7 MUTANT ALLELES OF THE CAPE, IN THE CAT POPULATION IN TALCA AND ITS PHYLOGENETIC RELATIONSHIP WITH CHILEAN AND WORLDWIDE CAT POPULATIONS

Con el objetivo de describir y analizar las frecuencias génicas de la población de gatos de la ciudad de Talca, Chile, se realizó durante el mes de Mayo de 2015 un muestreo aleatorio de 206 individuos de la población de gatos en esa ciudad. Cada ejemplar fue clasificado y fotografiado registrándose su sexo y la constitución genética de 7 alelos expresados fenotípicamente en la capa del gato (*O*, *a*, *t^b*, *d*, *l*, *S* y *W*). A partir del análisis de las frecuencias génicas se determinó que la población de gatos de Talca se encontraba en Equilibrio de Hardy-Weinberg para los loci del manchado y del color naranja ($p < 0,05$). También se determinó la distancia genética de Nei de la población de gatos de Talca con otros 64 poblaciones de gatos de Chile y el mundo, reportadas en la literatura, lo que mostró que la población de gatos de Talca tiene una menor distancia genética con las poblaciones chilenas de gatos de Chiloé (0,004449), Antofagasta (0,005145) y Angol (0,005370) y con la ciudad de San José de Costa Rica (0.012823), en cambio de tiene una mayor distancia genética con las poblaciones de gatos de las ciudades de Bogotá (Colombia) 0,112188, Valencia (España) 0,080983, York (Reino Unido) 0.070992. Además, se construyó un árbol filogenético con el método de Neighbor Joining y muestreo bootstrapping de las distancias genéticas, el cual mostró que la población de gatos de Talca se encuentra en un clado común con la mayoría de las poblaciones de gatos de Chile, y con poblaciones de origen hispano.

Palabras clave: alelos mutantes, frecuencia génica, distancia genética.